



**MUSÉUM**  
NATIONAL D'HISTOIRE NATURELLE

## Rencontres bioinformatique du MNHN 2018 Lundi 10 décembre 2018

Muséum National d'Histoire Naturelle de Paris, Grande Galerie de l'évolution  
(36 Rue Geoffroy-Saint-Hilaire, 75005 Paris)  
Organisateurs: Jawad Abdelkrim, Mathilde Carpentier, Romain Laurent et Loïc Ponger

# Programme

### 10h00-10h20: Accueil Auditorium de la GGE et mots d'ouverture

#### Session 1

10h20-10h40 **Yvan Le Bras** (DGD REVE) De l'INRA au MNHN en passant par le CNRS et l'INRIA, retour d'expérience sur 10 ans liés à la bioinformatique

10h40-11h00 **Laetitia Aznar-Cormano** (Dpt O&E) Génomique comparative réduite du mammoth laineux : comment la bioinformatique peut conduire à modéliser le design expérimental

11h00-11h20 **Anne-Sophie Archambeau** (DGD REVE) GBIF – Global Biodiversity Information Facility et réseau des portails nationaux « Living Atlases »

11h20-11h40 **Lucie Bittner** (Dpt O&E) Exploration de la matière noire omique à partir de méthodes de réseaux

### 11h40-12h00 : PAUSE CAFE

#### Session 2

12h00-12h20 **Patrice Pruvost & Alexis Martin** (Dpt AVIV) La bio-informatique appliquée dans le cadre du Programme d'Observation Écosystémique des Pêcheries Australes

12h20-12h40 **Léa Bouteille** (Dpt H&E) Sélection divergente de caractères polygéniques : simulation et détection

12h40-13h00 **Alain Paris** (Dpt AVIV) Phénotypes métaboliques et modélisations canoniques

13h00-13h20 **Isabelle Callebaut** (Dpt O&E) La bioinformatique à l'IMPMC : de la structure aux génomes

### 13h20-14h40 : DEJEUNER (Repas commun à la cantine du MNHN)

#### Session 3

14h40-15h00 **Christophe Escudé** (Dpt AVIV) Equipe ADN Répété, Chromatine, Evolution (ARChE)

**15h00-15h20 Jean-François Julien** (*Dpt H&E*) Ecouter dans le noir: depuis le traitement du signal jusqu'aux modélisations à large échelle, un exemple d'utilisation intensive de l'informatique en écologie

**15h20-15h40 Benjamin Marie** (*Dpt AVIV*) Exemples choisis d'utilisation d'outils de bio-informatique pour le traitement de données omiques, dans le cadre de l'étude des effets des proliférations de cyanobactéries chez les poissons

**15h40-16h00 Thomas Milon** (*DGD REVE*) Données de biodiversité : les outils au service de la chaîne de l'information

**16h00-16h20 : PAUSE CAFE**

#### **Session 4**

**16h20-16h40 Régine Vignes-Lebbe** (*Dpt O&E*) Plateforme Xper3 et collections

**16h40-17h00 Julien Mozziconacci** (*Dpt AVIV*) Deep learning for genomics

**17h00-17h20 Sophie Pasek** (*Dpt O&E*) Cribles génomiques et domestications de gènes

**17h20-17h30 : Mots de clôture**